Solicitud de transferencia de datos crudos de estudios genéticos

Información relevante sobre los datos crudos (leer detenidamente antes de completar el formulario):

Los datos crudos son los datos primarios obtenidos a partir de técnicas capaces de detectar alteraciones genéticas. Son formatos cuyos datos aún no han sido procesados y son de difícil lectura, no siendo posible leerlos sin un programa adecuado. Por lo tanto, no recomendamos que intente abrir este archivo sólo. Estos datos poseen formatos muy específicos e informaciones distintas, así como existe el formato .PDF para textos y .JPG para imágenes. Además, los archivos proporcionados contienen información sensible, por lo tanto, se debe tener cuidado al almacenarlos y compartirlos. Por este motivo se **recomienda** que estos archivos sean manipulados e interpretadas sólo por personas especializadas. Tampoco recomendamos acceder a estos archivos a través del teléfono celular.

Los archivos estarán disponibles para el/ los e-mail (s) indicado(s) mediante un link con un plazo para descargarlos. Recomendamos estar atentos a este plazo.

Antes de rellenar el formulario, verifique qué tipo de examen fue realizado, porque cada uno tendrá distintas opciones de formatos de archivos:

- **Estudio**: Exoma completo / Panel NGS
    - **Formato**: BAM (.bam)
        - **Descripción**: El archivo con la extensión ".bam" contiene en formato binario, los datos e informaciones de alineamiento de todas las secuencias obtenidas a partir del estudio.
    - **Formato**: VCF (.vcf)
        - **Descripción**: El archivo con la extensión ".vcf" (formato de llamado de variantes o variant call) contiene los datos de las variantes llamadas, junto con un encabezado que describe los filtros y procesos aplicados en los datos presentados.
    - **Formato**: Planilla de variantes con anotación
        - **Descripción:** Este archivo es un archivo de texto que contiene las variantes llamadas y las anotaciones con informaciones clínicas.

- **Estudio** SNP/CGH Array:
    - **Formato**: GTC (.gtc)
        - **Descripción**: El archivo con la extensión ".gtc" contiene los genotipos obtenidos a partir de la lectura del SNP/CHG array.

Identificación del paciente (es **obligatorio** completar – *con letra imprenta*):

Nombre completo: _____
Fecha de nacimiento: ___/____/_____
Sexo: ( ) Femenino ( ) Masculino
Documento de identificación:_____
Teléfono de contacto: ( ) _____
Email de contacto: _____

Identificación del responsable (completar *con letra imprenta, si aplica*):

Nombre completo: _____
Parentesco: _____
Fecha de nacimiento: ___/____/_____
Documento: _____
Teléfono de contacto: ( ) _____
Email de contacto: _____

Opcional:
Nombre del médico solicitante: _____
Número del Registro profesional: _____
E-mail do médico: _____

Quien suscribe, _____,
Documento: _____, soy:

- Paciente
- Responsable legal del paciente

Solicito los archivos crudos del estudio realizado y especificado a continuación:

Instrucciones: Marque el estudio realizado en la primera columna de la planilla abajo y el tipo de archivo crudo deseado en la segunda columna. Puede seleccionarse varios tipos de archivo, ***siempre y cuando estén en la misma línea del estudio seleccionado****.*

Estudio (marque sólo una opción)	Tipo de archivo (seleccione uno o varios)
○ **Exoma Completo / Panel NGS**	○ BAM (.BAM) ○ VCF (.vcf) ○ Planilla de variantes con anotación
○ **SNP/CHG Array**	○ GTC

1. E-mail para recepción de los datos crudos (**obligatorio** – *completar con letra de imprenta):*

_____

2. Si tiene interés en recibir los datos crudos en un segundo e-mail, por favor informar (**opcional** – *completar con letra de imprenta*):

_____

Declaro que soy consciente de que recibiré un link a la(s) dirección(es) de e-mail(s) previamente mencionados, a través del cual podré obtener los archivos solicitados, y asumo total responsabilidad por el almacenamiento y uso de la información contenida en los mismos. Además, entiendo que, en caso de existir alguna inconsistencia o información errónea en el formulario, será necesario completar un formulario nuevo.

Lugar/Fecha: _____

Firma del paciente o responsable legal: _____

TRADUÇÃO	REQ DASA	VERSÃO	NOTA DE RODAPÉ PARA AS TRADUÇÕES
REQ06798_Solicitud_de_transferencia_de_datos_crudos_-revLR[1]	REQ06798 - Requisição de Transferência de Dados Brutos de Exames Genéticos	Versão 6.0	Documento traduzido da versão original REQ06798 - Requisição de Transferência de Dados Brutos de Exames Genéticos, disponivel no sistema internos de qualidade SQDasa https://sq.dasa.com.br/sqdasa/app/documentos/ler/207290980